

## ANÁLISE DE POLIMORFISMO MOLECULAR EM POPULAÇÕES DE *Hypostomus* spp. DO RIO IVAÍ ATRAVÉS DA TÉCNICA DE AMPLIFICAÇÃO rDNA 5S

**Paulo Roberto Nunes de Goes<sup>1</sup>; Carlos Henrique Freire<sup>2</sup>; Alessandra Valéria de Oliveira<sup>3</sup>**

**RESUMO:** A diversidade dos recursos genéticos aquáticos ocorre pelo conjunto da diversidade de espécies e pela própria diversidade genética destes. Entre preocupações e ações referentes aos impactos ambientais sobre a biodiversidade nos ecossistemas aquáticos se situam o desaparecimento de alguma espécie e a diminuição da diversidade genética nas espécies. Entre os vertebrados os peixes são os mais diversificados e os de maior variabilidade genética. Na bacia do rio Paraná são encontradas em torno de 16 espécies de *Hypostomus* spp. e não há consenso em relação a sua taxonomia. Há necessidade dos estudos sobre sua biologia, taxonomia e genética devido à preocupação com a manutenção dos estoques naturais. Nos estudos sobre o reconhecimento e identificação da diversidade existente na ictiofauna Neotropical estão sendo aplicados marcadores moleculares, buscando a preservação de unidades evolutivamente significativas para a manutenção da biodiversidade e isto só se tornou possível a partir do final da década de 70, após a descoberta das enzimas de restrição, quando se iniciaram os primeiros estudos com marcadores moleculares baseados em DNA. Foi, no entanto, com o surgimento da técnica de *PCR* que os estudos na área de biologia molecular ganharam considerável expressão. Assim, estes estudos têm possibilitado o desenvolvimento de metodologias para avaliação do DNA que ajudam na geração de dados importantes sobre a origem e o grau de variação genética nos seres vivos. As técnicas baseadas em marcadores moleculares são utilizadas na identificação da diversidade das espécies de peixes neotropicais, entre elas se destacando a técnica do rDNA 5S, que consiste de seqüências que codificam o rRNA 5S e são separadas umas das outras por espaçadores não transcritos. O uso das repetições do rDNA 5S permite isolar os espaçadores não transcritos das mais diferentes espécies sem um conhecimento prévio do genoma da espécie utilizada. Desta forma este trabalho objetiva analisar o polimorfismo entre espécimes de *Hypostomus* spp. obtidos na bacia do rio Ivaí utilizando marcadores moleculares rDNA 5S e com isto auxiliando estudos futuros sobre ecologia e biologia do gênero na região.

**PALAVRAS-CHAVE:** Biodiversidade; Marcadores moleculares; Variabilidade genética.

<sup>1</sup> Acadêmico do Curso de Medicina Veterinária. Centro Universitário de Maringá – CESUMAR, Maringá – Paraná. Bolsista do Programa de Bolsas de Iniciação Científica do CESUMAR (PROBIC). [prngoes@uol.com.br](mailto:prngoes@uol.com.br)

<sup>2</sup> Discente do Curso de Biomedicina. Departamento de Biomedicina do Centro Universitário de Maringá – CESUMAR, Maringá – Paraná. [kar\\_loos@hotmail.com](mailto:kar_loos@hotmail.com)

<sup>3</sup> Docente do Curso de Ciências Biológicas. Departamento de Ciências Biológicas do Centro Universitário de Maringá – CESUMAR, Maringá – Paraná. [alessoli@cesumar.br](mailto:alessoli@cesumar.br)